

FIGURE 1

VSFRLSGATTSY (SEQ ID NO: 10), FRLSGATTSYGV (SEQ ID NO: 11),
TSYGVFIKNLREA (SEQ ID NO: 12), YGVFIKNLREALP (SEQ ID NO: 13),
GVFIKNLREALPY (SEQ ID NO: 14), VFIKNLREALPYE (SEQ ID NO: 15),
KNLREALPYERKV (SEQ ID NO: 16), EALPYERKVYNIP (SEQ ID NO: 17),
LPYERKVYNIPLL (SEQ ID NO: 18), RKVYNIPLLRSSI (SEQ ID NO: 19),
KVYNIPLLRSSIS (SEQ ID NO: 20), YNIPLLRSSISGS (SEQ ID NO: 21),
IPLLRSISGSGR (SEQ ID NO: 22), PLLRSISGSGRY (SEQ ID NO: 23),
SSISGSGRYTLLH (SEQ ID NO: 24), GRYTLLHLTNYAD (SEQ ID NO: 25),
YTLLHLTNYADET (SEQ ID NO: 26), TLLHLTNYADETI (SEQ ID NO: 27),
LHLTNYADETISV (SEQ ID NO: 28), TNAYADETISVAVD (SEQ ID NO: 29),
ETISVAVDVTNVY (SEQ ID NO: 30), ISVAVDVTNVYIM (SEQ ID NO: 31),
VAVDVTNVYIMGY (SEQ ID NO: 32), VDVTNVYIMGYLA (SEQ ID NO: 33),
TNVYIMGYLAGDV (SEQ ID NO: 34), NVYIMGYLAGDVS (SEQ ID NO: 35),
VYIMGYLAGDVSY (SEQ ID NO: 36), YIMGYLAGDVSYF (SEQ ID NO: 37),
MGYLAGDVSYFFN (SEQ ID NO: 38), GYLAGDVSYFFNE (SEQ ID NO: 39),
GDVSYFFNEASAT (SEQ ID NO: 40), VSYFFNEASATEA (SEQ ID NO: 41),
SYFFNEASATEAA (SEQ ID NO: 42), YFFNEASATEAAK (SEQ ID NO: 43),
AKFVFKAKKVKT (SEQ ID NO: 44), KFVFKAKKVTL (SEQ ID NO: 45),
FVFKAKKVTL (SEQ ID NO: 46), KKVTLPYSGNYER (SEQ ID NO: 47),
VTLPYSGNYERLQ (SEQ ID NO: 48), LPYSGNYERLQTA (SEQ ID NO: 49),
GNYERLQTAAGKI (SEQ ID NO: 50), ERLQTAAGKIREN (SEQ ID NO: 51),
GKIRENIPGLPA (SEQ ID NO: 52), ENIPLGLPALDSA (SEQ ID NO: 53),
IPLGLPALDSA (SEQ ID NO: 54), LGLPALDSAITT (SEQ ID NO: 55),
PALDSAITTLYYY (SEQ ID NO: 56), SAITTLYYYTASS (SEQ ID NO: 57),
TTLYYYTASSAAS (SEQ ID NO: 58), TLYYYTASSAASA (SEQ ID NO: 59),
LYYYTASSAASAL (SEQ ID NO: 60), YYYTASSAASALL (SEQ ID NO: 61),
SALLVLIQSTAES (SEQ ID NO: 62), ALLVLIQSTAESA (SEQ ID NO: 63),
LLVLIQSTAESAR (SEQ ID NO: 64), LVLIQSTAESARY (SEQ ID NO: 65),
VLIQSTAESARYK (SEQ ID NO: 66), ARYKFIEQQIGKR (SEQ ID NO: 67),
YKFIEQQIGKRV (SEQ ID NO: 68), KFIEQQIGKRVDK (SEQ ID NO: 69),
QQIGKRVDTFLP (SEQ ID NO: 70), KRVDTFLPSLAT (SEQ ID NO: 71),
KTFLPSLATISLE (SEQ ID NO: 72), TFLPSLATISLEN (SEQ ID NO: 73),
PSLATISLENNWS (SEQ ID NO: 74), ATISLENNWSALS (SEQ ID NO: 75),
ISLENNWSALSKQ (SEQ ID NO: 76), NNWSALSKQIQIA (SEQ ID NO: 77),
SALSKQIQIASTN (SEQ ID NO: 78), KQIQIASTNNQF (SEQ ID NO: 79),
IQIASTNNQFES (SEQ ID NO: 80), GQFESPVVLIDGN (SEQ ID NO: 81),
SPVVLIDGNNQRV (SEQ ID NO: 82), PVVLIDGNNQRVS (SEQ ID NO: 83),
VVVIDGNNQRVSI (SEQ ID NO: 84), VLIDGNNQRVSIT (SEQ ID NO: 85),
QRVSITNASARVV (SEQ ID NO: 86), VSITNASARVVT (SEQ ID NO: 87),
ARVVTNSNIALLLN (SEQ ID NO: 88), RVVTSNIALLLNR (SEQ ID NO: 89),
SNIALLLRNNAIA (SEQ ID NO: 90), IALLLNRRNNAAI (SEQ ID NO: 91),
ALLLNRRNNAIAIG (SEQ ID NO: 92), LLLNRNNAIAIGE (SEQ ID NO: 93),
NNIAAIGEDISMT (SEQ ID NO: 94), AAIGEDISMTLIG (SEQ ID NO: 95),
EDISMTLIGFEHG (SEQ ID NO: 96), ISMTLIGFEHGLY (SEQ ID NO: 97),
MTLIGFEHGLYGI (SEQ ID NO: 98)

10/517707

Natl. Stage of PCT/EP03/06055
 Prelim. Amdt dated December 10, 2004
 Replacement Sheet

FIGURE 2

Peptide ID #	Sequence	Residue #	SEQ ID NO:
1	DVSFRLSGATTTSYG	1	99
2	FRLSGATTTSYGVFI	4	100
3	SGATTTSYGVFIKNL	7	101
4	TTTSYGVFIKNLREA	10	102
5	SYGVFIKNLREALPY	13	103
6	VFIKNLREALPYERK	16	104
7	KNLREALPYERKVYN	19	105
8	REALPYERKVYNIPL	22	106
9	L PYERKVYNIPLLRS	25	107
10	ERKVYNIPLLRSSIS	28	108
11	VYNIPLLRSSISGSG	31	109
12	IPLLRSSISGSGRYT	34	110
13	LRSSISGSGRYTLLH	37	111
14	SISGSGRYTLLHLTN	40	112
15	GSGRYTLLHLTNYAD	43	113
16	RYTLLHLTNYADETI	46	114
17	LLHLTNYADETISVA	49	115
18	LTNYADETISVAVDV	52	116
19	YADETISVAVDVTNV	55	117
20	ETISVAVDVTNVYIM	58	118
21	SVAVDVTNVYIMGYL	61	119
22	VDVTNVYIMGYLAGD	64	120
23	TNYYIMGYLAGDVSY	67	121
24	YIMGYLAGDVSYFFN	70	122
25	GYLAGDVSYFFNEAS	73	123
26	AGDVSYFFNEASATE	76	124
27	VSYFFNEASATEAAK	79	125
28	FFNEASATEAAKFVF	82	126
29	EASATEAAKFVFKDA	85	127
30	ATEAAKFVFKDAKKK	88	128
31	AAKFVFKDAKKVTL	91	129
32	FVFKDAKKKVTLPPS	94	130
33	KDAKKKVTLPPSGNY	97	131
34	KKKVTLPPSGNYERL	100	132
35	VTLPPSGNYERLQTA	103	133
36	PYSGNYERLQTAAGK	106	134
37	GNYERLQTAAGKIRE	109	135
38	ERLQTAAGKIRENIP	112	136
39	QTAAGKIRENIPPLGL	115	137
40	AGKIRENIPPLGLPAL	118	138
41	IRENIPPLGLPALDSA	121	139
42	NIPPLGLPALDSAITT	124	140
43	LGLPALDSAITTLYY	127	141

Peptide ID #	Sequence	Residue #	SEQ ID NO:
44	PALDSAITTLYYYTA	130	142
45	DSAITTLYYYTASSA	133	143
46	ITTLYYYTASSAASA	136	144
47	LYYYTASSAASALLV	139	145
48	YTASSAASALLVLIQ	142	146
49	SSAASALLVLQSTA	145	147
50	ASALLVLQSTAESA	148	148
51	LLVLQSTAESARYK	151	149
52	LIQSTAESARYKFIE	154	150
53	STAESARYKFIEQQI	157	151
54	ESARYKFIEQQIGKR	160	152
55	RYKFIEQQIGKRVDK	163	153
56	FIEQQIGKRVDKTFL	166	154
57	QQIGKRVDKTFLPSL	169	155
58	GKRVDKTFLPSLTI	172	156
59	VDKTFLPSLATISLE	175	157
60	TFLPSLATISLENNW	178	158
61	PSLATISLENNWSAL	181	159
62	ATISLENNWSALKSQ	184	160
63	SLENNWSALKQIQI	187	161
64	NNWSALKQIQIAST	190	162
65	SALKQIQIASTNNNG	193	163
66	SKQIQIASTNNQFE	196	164
67	IQIASTNNNGQFESPV	199	165
68	ASTNNGQFESPVVLI	202	166
69	NNGQFESPVVLDGN	205	167
70	QFESPVVLDGNQNR	208	168
71	SPVVLDGNQNRVSI	211	169
72	VLIDGNQNRVSI	214	170
73	DGNQNRVSI	217	171
74	NQRVSI	220	172
75	VSI	223	173
76	TNA	226	174
77	SARV	229	175
78	VTV	232	176
79	SNI	235	177
80	ALL	238	178
81	LNR	241	179
82	NNIA	244	180
83	AAIGE	247	181
84	GEDIS	250	182
85	ISMTLIGFEHGLYGI	253	183